

Table S2. Discontinuous B-cell epitopes predicted based on the 3D structure by Ellipro software

Residues	Number of residues	Score
A: S64, A: E65, A: A66, A: P67, A: G68, A: G69, A: N142	7	0.784
A: Y113, A: D114, A: P115, A: G116, A: N117, A: T118, A: H119, A: H120, A: H121, A: M122, A: H123	11	0.709
A: A95, A: P96, A: G97, A: E98, A: K99, A: D100, A: G101, A: K102, A: I103, A: V104, A: P105, A: A106	12	0.672
A: T52, A: G53, A: P54, A: G55, A: K56, A: V58, A: E77, A: K78, A: L79, A: T80, A: P81, A: G82, A: Y83, A: E128, A: V130, A: L131, A: D132, A: G133, A: K134	19	0.618